

CÁMARA DE DIPUTADOS	
MESA DE MOVIMIENTO	
08 FEB 2021	
Recibido.....	1044.....Hs.
Exp. N°.....	41917.....C.D.



**CÁMARA DE DIPUTADOS
DE LA PROVINCIA DE SANTA FE**

PROYECTO DE DECLARACION

Su beneplácito, reconocimiento y felicitaciones al grupo de Genómica y Bioinformática del IDICaL (INTA-CONICET), por trabajar en la secuenciación completa del genoma de cepas del virus SARS-CoV-2 circulante en las provincias de Santa Fe, Chaco y Corrientes, analizando más de 150 genomas completos de SARS-Cov-2.

**Diputada Provincial
Cesira Arcando**

Fundamentos:

Sr. Presidente:

Que conforme surge de la pagina del Ministerio de Ciencia, Tecnología e Innovación de la Nación, *"un grupo de investigadores del grupo de Genómica y Bioinformática del Instituto de Investigación de la Cadena Láctea (IDICaL), de doble dependencia entre el Instituto Nacional de Tecnología Agropecuaria (INTA) y el Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas (CONICET), y la Universidad Nacional de Rafaela (UNRaf) trabajan en la secuenciación completa del genoma de cepas del virus SARS-CoV-2 circulante en las provincias de Santa Fe, Chaco y Corrientes¹".*

Que *"el grupo de Genómica y Bioinformática de la Ciudad de Rafaela, integrado por Ariel Amadio, María Florencia Eberhardt y José Matías Irazoqui, recibe las muestras recolectadas por el Laboratorio Central de la ciudad de Santa Fe para realizar la secuencia completa del genoma de las*

¹ <https://www.argentina.gob.ar/noticias/santa-fe-lleva-analizados-mas-de-150-genomas-completos-de-sars-cov-2-0>



**CÁMARA DE DIPUTADOS
DE LA PROVINCIA DE SANTA FE**

diferentes cepas del virus bajo un protocolo diseñado y validado por la red internacional ARTIC, que ha generado este tipo de técnicas para virus como Ébola, MERS, SARS, Influenza, Zika y SARS-Cov-2, y con la tecnología de secuenciación MinION, desarrollada por Oxford Nanopore, la cual no requiere de inversiones en equipamiento ya que es portable y posibilita replicar este tipo de análisis en distintos lugares donde sea requerido”.

Que "hasta el momento, el grupo de investigación lleva secuenciados más de 150 genomas completos de diferentes cepas del virus SARS-Cov-2 con un análisis filogeográfico (dinámica poblacional) de las cepas virales en tiempo y espacio geográfico. Los genomas completos obtenidos se suben y se comparan con aquellos depositados en el sistema GISAID (Global Initiative on Sharing All Influenza Data) lo cual permite seguir la evolución de la pandemia en todo el mundo”.

Que resulta fundamental que este cuerpo reconozca la labor desarrollada por los científicos de nuestra provincia.

Que por tales fundamentos, es que solicito a las diputadas y los diputados, me acompañen con su firma en el presente proyecto de declaración.

Cesira Arcando
Diputada Provincial